

**IDENTIFIKASI KANDIDAT TARGET OBAT *ULCERATIVE COLITIS*
(UC) MENGGUNAKAN PENDEKATAN BIOINFORMATIKA MENUJU
*PRECISION MEDICINE***

TESIS



Oleh:

Rahman S Sianu
2107045005

FAKULTAS FARMASI
UNIVERSITAS AHMAD DAHLAN
YOGYAKARTA
2023

**IDENTIFIKASI KANDIDAT TARGET OBAT *ULCERATIVE COLITIS*
(UC) MENGGUNAKAN PENDEKATAN BIOINFORMATIKA MENUJU
*PRECISION MEDICINE***

TESIS

**Diajukan untuk memenuhi salah satu syarat dalam mencapai Derajat
Pascasarjana Farmasi (M.Farm)**

Program Studi Farmasi

Universitas Ahmad Dahlan

Yogyakarta

Oleh:
Rahman S Sianu

2107045005

Kepada

FAKULTAS FARMASI

UNIVERSITAS AHMAD DAHLAN

YOGYAKARTA

2023

PENGESAHAN TESIS

Berjudul

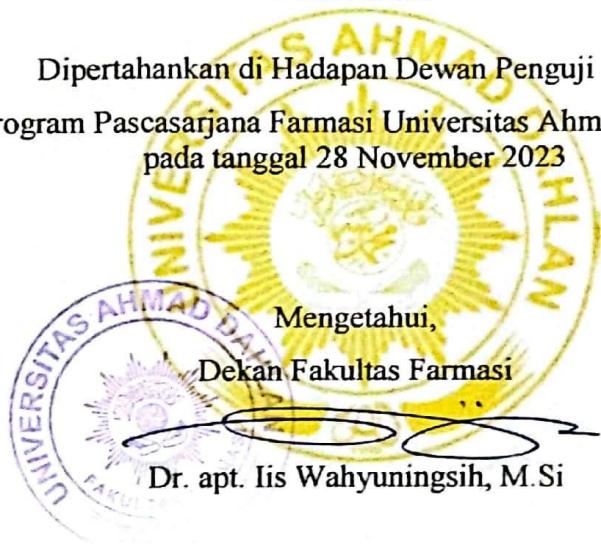
IDENTIFIKASI KANDIDAT TARGET OBAT *ULCERATIVE COLITIS (UC)* MENGGUNAKAN PENDEKATAN BIOINFORMATIKA MENUJU *PRECISION MEDICINE*

Oleh:

Rahman S Sianu

2107045005

Dipertahankan di Hadapan Dewan Pengaji Tesis
Program Pascasarjana Farmasi Universitas Ahmad Dahlan
pada tanggal 28 November 2023



Pembimbing Utama

Apt. Lalu Muhammad Irham. M.Farm., Ph.D

Pengaji:

1. Apt. Lalu Muhammad Irham. M.Farm., Ph.D
2. Apt. Wirawan Adikusuma, M.Sc., Ph.D
3. Apt. Lolita. M.Sc., Ph.D
4. Prof. Dr. apt. Nanik Sulistyani., M.Si

Pembimbing Pendamping

Apt. Wirawan Adikusuma, M.Sc., Ph.D

SURAT PERNYATAAN

Saya yang bertanda tangan dibawah ini,

Nama : Rahman S Sianu

NIM : 2107045005

Peminatan : Farmasi Klinis

Alamat : Jln. Wonosalam no. 3A, Ngaglik, Sleman, Yogyakarta

Email : sianurahman977@gmail.com

No. Hp : 0812 1087 6792

Dengan surat ini, saya menyatakan dengan sungguh-sungguh dan sanggup untuk menyelesaikan persyaratan kelulusan terkait dengan artikel **paling lambat 6 bulan** setelah tanggal pelaksanaan yudisium. Karena belum terpenuhi persyaratan publikasi artikel, maka saya bersedia menerima konsekuensi penundaan penerimaan ijazah.

Demikian surat pernyataan kesanggupan saya buat dengan sebenar-benarnya dan penuh rasa tanggung jawab.

Yogyakarta, 26 Desember 2023



PERNYATAAN TIDAK PLAGIAT

Yang bertanda tangan di bawah ini saya:

Nama : Rahman S Sianu
NIM : 2107045005
Program Studi : Farmasi – S2
Judul Penlitian : Identifikasi Kandidat Target Obat *Ulcerative Colitis* (UC)
Menggunakan Pendekatan Bioinformatika Menuju
Precision Medicine

Dengan ini menyatakan bahwa:

1. Hasil karya yang saya serahkan ini adalah asli dan belum pernah mendapatkan gelar kesarjanaan baik di Universitas Ahmad Dahlan maupun di institusi pendidikan lainnya.
2. Hasil karya saya ini bukan saduran/terjemahan melainkan merupakan gagasan, rumusan dan hasil penelitian serta implementasi saya sendiri, tanpa bantuan dari pihak lain kecuali arahan pembimbing akademik dan narasumber penelitian.
3. Hasil karya saya ini merupakan hasil revisi terakhir setelah diujikan yang telah diketahui dan disetujui oleh pembimbing.
4. Dalam karya saya ini tidak terdapat karya atau pendapat yang telah ditulis atau dipublikasikan orang lain, kecuali yang digunakan sebagai acuan dalam naskah dengan menyebutkan nama penulis dan dicantumkan dalam daftar pustaka.

Pernyataan ini saya buat dengan sesungguhnya. Apabila dikemudian hari terbukti ada penyimpangan dan ketidakbenaran dalam pernyataan ini maka saya bersedia menerima sanksi akademik berupa pencabutan gelar yang telah diperoleh

karena karya saya ini, serta sanksi lain yang sesuai dengan ketentuan yang berlaku
di Universitas Ahmad Dahlan Yogyakarta.

Yogyakarta, 18 Desember 2023

Yang Menyatakan



Rahman S Sianu

A handwritten signature consisting of a large, stylized oval on the left, a vertical line with a small circle at the top on the right, and a diagonal line sloping upwards from bottom-left to top-right. The name "Rahman S Sianu" is written below the signature in a smaller, cursive font.

HALAMAN PERSETUJUAN AKSES

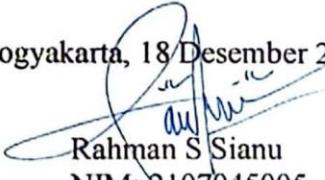
Yang bertanda tangan di bawah ini saya:

Nama : Rahman S Sianu
NIM : 2107045005 Email : sianurahman977@gmail.com
Fakultas : Farmasi Program Studi : Farmasi S2
Judul Penlitian: Identifikasi Kandidat Target Obat *Ulcerative Colitis* (UC)
Menggunakan Pendekatan Bioinformatika Menuju *Precision Medicine*

Dengan ini saya menyerahkan hak sepenuhnya kepada Perpustakaan Universitas Ahmad Dahlan untuk menyimpan, mengatur akses serta melakukan pengelolaan terhadap karya saya ini dengan mengacu pada ketentuan akses tugas akhir elektronik sebagai berikut:

Saya (~~mengijinkan/tidak mengijinkan~~)* karya tersebut diunggah ke dalam Repository Perpustakaan Universitas Ahmad Dahlan.

Demikian pernyataan ini saya buat dengan sebenarnya.

Yogyakarta, 18 Desember 2023

Rahman S Sianu
NIM: 2107045005

Mengetahui

Pembimbing Utama



Apt. Lalu Muhammad Irham, M.Farm., Ph.D

Ket:

*coret salah satu

**jika diijinkan TA dipublish maka ditandatangani dosen Pembimbing dan
Mahasiswa

HALAMAN PERSEMBAHAN

“Allah tidak membebani seseorang melainkan sesuai dengan kemampuannya”
(QS. Al Baqarah: 286)

Dengan mengucap Alhamdulillah saya persembahkan sebuah karya tulis ilmiah
ini untuk

Diri Sendiri

Teruntuk diri sendiri terimakasih karena telah mau dan bertahan sampai saat ini
dan mampu bertahan di titik ini

Mama dan Bapak serta Keluarga di Sulawesi

Kedua orang tua dan keluargaku tercinta terimakasih untuk semuanya
Alhamdulillah kini sudah berada di tahap ini, menyelesaikan karya tulis ilmiah ini
sebagaimana perwujudan terakhir di pascasarjana ini. Saya persembahkan karya
tulis ilmiah ini terutama untuk kalian berdua dan keluargaku. Terima kasih sudah
mengantarkan saya berada di tempat ini, meskipun pada akhirnya perjalanan ini
harus saya lewati sendiri tanpa lagi kalian temani.

Istri dan Calon Anak serta Keluarga di Padang

Keluarga kecilku tercinta Istri dan calon Anakku terimakasih sudah mengijinkan
saya untuk berjuang melanjutkan pendidikan dimana selalu menguras waktu untuk
focus mengerjakan tugas kuliah, hasil karya saya persembahkan terutama untuk
kalian berdua dan keluargaku.

Kucing Kesayanganku

Untuk kalian makhluk kesayangan Rosulullah kucing kesayanganku, terimakasih
sudah menjadi sahabat yang selalu memberikan semangat disaat saya dalam
kondisi terpuruk.

KATA PENGANTAR

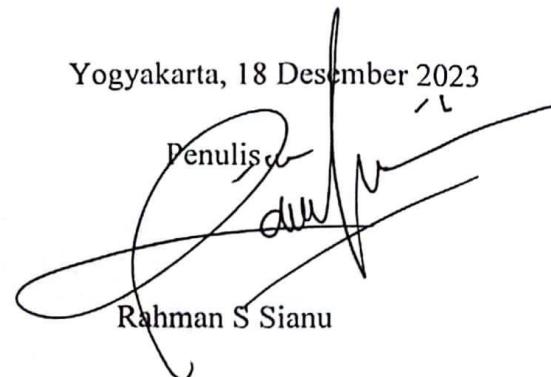
Puji syukur penulis panjatkan kepada Allah SWT segala rahmat dan karunia beliau untuk memungkinkan penulis menyelesaikan penelitian dan tesisnya dengan judul “Identifikasi Kandidat Target Obat *Ulcerative Colitis* (UC) Menggunakan Pendekatan Bioinformatika Menuju *Precision Medicine*”. Penulisan tesis ini terstruktur memenuhi salah satu syarat untuk memperoleh gelar Magister Farmasi di Jurusan Farmasi Klinis Fakultas Farmasi Universitas Ahmad Dahlan. Penulis memahami baik artikel maupun penyusunan Tesis ini termasuk bantuan dari berbagai pihak. Oleh karena itu dalam konten ini dengan segala kerendahan hati, penulis mengucapkan terima kasih yang sebesar-besarnya kepada:

1. Apt. Lalu Muhammad Irham. M.Farm., Ph.D, selaku dosen Pembimbing Utama yang telah memberikan bimbingan penuh, serta arahan dan masukan selama proses penelitian dan penulisan Tesis ini.
2. Apt. Wirawan Adikusuma, M.Sc., Ph.D selaku dosen Pembimbing Pendamping yang telah dengan sabar, memberikan banyak masukkan serta meluangkan waktunya untuk membimbing penulisan Tesis ini.
3. Apt. Lolita. M.Sc., Ph.D, selaku Reviewer dalam Seminar Proposal yang telah memberikan saran dan masukan dalam penulisan Tesis ini.
4. Prof. Dr. apt. Nanik Sulistyani., M.Si selaku penguji dalam ujian pendadaran Tesis yang telah memberikan saran dan masukan dalam penulisan Tesis ini.
5. Dr. Apt. Moch. Saiful Bachri, M.Si, selaku kepala Program Studi S2 Farmasi Universitas Ahmad Dahlan Yogyakarta.
6. Dr. Apt. Iis Wahyuningsih, M.Si, selaku Dekan Fakultas Farmasi Universitas Ahmad Dahlan Yogyakarta.
7. Dr. Muchlas, M.T, selaku Rektor Universitas Ahmad Dahlan Yogyakarta.
8. Seluruh dosen Fakultas Farmasi Universitas Ahmad Dahlan Yogyakarta.

9. Seluruh staff, karyawan, dan laboran laboratorium Farmasi Universitas Ahmad Dahlan Yogyakarta atas bantuannya selama proses perkuliahan dan penelitian.
10. Seluruh keluarga yang selalu memberikan dukungan moril maupun material kepada penulis sehingga dapat menyelesaikan studi dan penulisan Tesis ini.
11. Teman-teman mahasiswa S2 Farmasi Klinis dan POKBA Angkatan Ganjil tahun 2021 yang banyak memberikan bantuan dan masukan dalam penyusunan Tesis ini.
12. Serta teman-teman Muhammad Ma'ruf, Dwiki Fitri, Anisa Devi Kharisma Wibowo, dan Ayu Lifia Nur Kartikasari di bawah bimbingan bapak Apt. Lalu Muhammad Irham. M.Farm., Ph.D yang tidak bisa disebutkan satu persatu yang telah membantu penulis dalam penyusunan Tesis ini.

Semoga Allah SWT melimpahkan Rahmat-Nya kepada semua pihak yang sudah membantu. Penulis menyadari, bahwa Tesis ini masih jauh dari sempurna, untuk itu penulis mengharapkan kritik dan saran yang sekiranya dapat memperbaiki Tesis ini. Semoga tesis ini dapat bermanfaat bagi penulis maupun pihak yang berkepentingan. Amin yaa rabbal'alamin.

Yogyakarta, 18 Desember 2023



A handwritten signature in black ink, consisting of a large loop on the left containing the word "Penulis" and a smaller loop on the right containing the initials "DSL". Below the loops, the name "Rahman S Sianu" is written in a smaller, straight font.

DAFTAR ISI

PENGESAHAN TESIS	ii
HALAMAN PERNYATAAN	iii
PERNYATAAN TIDAK PLAGIAT	iv
HALAMAN PERSETUJUAN AKSES	vi
HALAMAN PERSEMBAHAN	vii
KATA PENGANTAR	viii
DAFTAR ISI.....	x
DAFTAR TABEL.....	xiii
DAFTAR GAMBAR	xiv
LAMPIRAN	xv
DAFTAR SINGKATAN	xvi
INTISARI.....	xvii
<i>ABSTRACT</i>	xviii
BAB I. PENDAHULUAN	1
1.1 Latar Belakang Penelitian	1
1.2 Rumusan Masalah Penelitian	4
1.3 Tujuan Penelitian	4
1.4 Manfaat Penelitian	4

BAB II. TINJAUAN PUSTAKA.....	6
2.1 <i>Ulcerative Colitis (UC)</i>	6
2.2 Patofisiologi <i>Ulcerative Colitis</i>	7
2.3 Bioinformatika untuk <i>Drug Repurposing</i>	9
2.4 <i>Genome – Wide Association Studies (GWAS) catalog</i>	13
2.5 Kelebihan dan Keterbatasan <i>Genome – Wide Association Studies (GWAS) catalog</i>	15
2.6 Pemantauan <i>Single Nucleotide Polymorphism (SNP)</i>	16
BAB III. METODE PENELITIAN.....	18
3.1 Desain Penelitian	18
3.2 Waktu Penelitian.....	18
3.3 Sumber Data.....	18
3.4 Kriteria Inklusi dan Eksklusi	20
3.5 Defenisi Operasional.....	20
3.6 Alur Kerja Penelitian	21
3.7 Analisis Data.....	22
BAB IV. HASIL DAN PEMBAHASAN	25
4.1. Identifikasi Gen yang Berhubungan dengan Penyakit <i>Ulcerative Colitis (UC)</i>	26
4.2. Identifikasi Gen yang Berisiko pada penyakit <i>Ulcerative Colitis (UC)</i> .	38

4.3. Kandidat Target Obat Baru (<i>Drug Repurposing</i>)	43
KESIMPULAN DAN SARAN.....	47
DAFTAR PUSTAKA	49

DAFTAR TABEL

Tabel 1. Jenis - jenis <i>Drug Repurposing</i>	13
Tabel 2. Pengaruh perubahan susunan <i>SNP</i> terhadap Translasi.....	17
Tabel 3. <i>Minor Allele Frequencies (MAF) of the Single Nucleotide Polymorphisms (SNP) in Ulcerative Colitis</i>	26
Tabel 4. Gen-Gen yang berisiko pada Penyakit <i>Ulcerative Colitis</i> Berdasarkan Kriteria Enam Anotasi Fungsional.....	38
Tabel 5. Kandidat Target Obat untuk Penyakit <i>Ulcerative Colitis</i>	43

DAFTAR GAMBAR

Gambar 1. Patofisiologi <i>Ulcerative Colitis</i>	9
Gambar 2. Sistematik <i>Drug Repurposing</i> dengan database Genomik pada <i>Ulcerative Colitis</i>	21
Gambar 3. Interaksi Protein-Protein yang Berhubungan dengan <i>Ulcerative Colitis</i>	40
Gambar 4. Hubungan Protein dan Target Obat pada <i>Ulcerative Colitis</i>	45

LAMPIRAN

Lampiran 1. GWAS catalog dengan kata kunci <i>Ulcerative Colitis</i>	57
Lampiran 2. Penentuan SNP pada GWAS catalog dengan menggunakan <i>p value</i> $(<10^{-8})$	58
Lampiran 3. Identifikasi SNP yang mengalami <i>missense</i> menggunakan <i>Haploreg</i> <i>v4.2 database</i>	59
Lampiran 4. Identifikasi Protein-Protein Interaksi menggunakan STRING <i>database</i>	60
Lampiran 5. Identifikasi <i>cis-eQTL</i> menggunakan Uniprot <i>database</i> yang terintegrasi dengan Bgee <i>database</i>	61
Lampiran 6. Webgestalt <i>database</i> terkait <i>Gene Ontology</i> (GO) dan KEGG <i>pathway</i> pada <i>Ulcerative Colitis</i>	63
Lampiran 7. KEGG <i>pathway</i> yang terintegrasi dengan Uniprot <i>database</i>	65
Lampiran 8. <i>Drug Gene Interaction Database</i> (DGIdb).....	69
Lampiran 9. Drugbank <i>database</i>	70
Lampiran 10. <i>Drug-Gene Interactions database</i> (DGIdb) dan Drugbank <i>database</i> pada <i>Ulcerative Colitis</i>	71

DAFTAR SINGKATAN

ADCY7	<i>Adenylate Cyclase 7</i>
APC	<i>Antigen Presenting Cell</i>
ATP	<i>Adenosine Triphosphate</i>
cAMP	<i>cyclic Adenosine Monophosphate</i>
CARD9	<i>Caspase Recruitment Domain-containing Protein 9</i>
DGIdb	<i>Drug-Gene Interaction database</i>
FCGR2A	<i>Immunoglobulin Fc Gamma Region Receptor 2-A</i>
FUT2	<i>Fucoseltransferase 2</i>
GCKR	<i>Glucokinase Regulator</i>
GPR35	<i>G-Protein Coupled Receptor 35</i>
GPSM1	<i>G Protein Signaling Modulator 1</i>
GSDMB	<i>Gasdermin type B</i>
GWAS	<i>Genomic-Wide Association Studies</i>
IBD	<i>Inflammatory Bowel Disease</i>
IFIH1	<i>Interferon-Induced Helicase C Domain-containing Protein 1</i>
IL17REL	<i>Putative Interleukin-17 Receptor E-like</i>
IL23R	<i>Interleukin 23 Receptor</i>
IL7R	<i>Interleukin-7 Receptor</i>
JAK	<i>Janus Kinase</i>
LPS	<i>Lipopolysaccharide</i>
MDP	<i>Muramyl Dipeptide</i>
MST1	<i>Macrophage Stimulatory Protein</i>

NF-<i>k</i>β	<i>Nuclear Factor Kappa Beta</i>
NK cell	<i>Natural Killer cell</i>
NOD2	<i>Nucleotide Oligomeriation Domain-2</i>
PLCG2	<i>Phospholipase C-Gamma 2</i>
PRKCQ	<i>Protein Kinase C Theta type</i>
SH2B3	<i>SH2B adapter protein 3</i>
SMAD3	<i>Mothers against Decapentaplegic Homolog 3</i>
SNP	<i>Single Nucleotide Polymorphism</i>
TCR	<i>T-Cell Receptor</i>
TLR4	<i>Toll-Like Receptor 4</i>
TNF-<i>a</i>	<i>Tumor Necrosis Factor Alpha</i>
TYK2	<i>Tyrosine Kinase 2</i>
UC	<i>Ulcerative Colitis</i>

INTISARI

Ulcerative Colitis (UC) merupakan suatu inflamasi kronis yang terjadi pada lapisan saluran cerna terutama pada rektum dan kolon. Faktor genetik merupakan salah satu penyebab terjadinya penyakit UC. Hal ini menjadi tantangan dalam menemukan obat baru untuk mengobati penyakit berdasarkan gen target tertentu. Maka tujuan dari penelitian ini adalah untuk mengidentifikasi kandidat target terapi pada UC. Penelitian ini menggunakan *Genomic – Wide Association Studies (GWAS) catalog* untuk mengumpulkan data terkait variasi gen yang berhubungan dengan UC dengan *p value* $<10^{-8}$. SNPs yang mengalami *missense* menjadi focus utama pada tahap ini. Pada tahap selanjutnya, menentukan gen target dengan dilakukan klasifikasi skor berdasarkan *Six Functional Annotation Criteria* meliputi *Protein-Protein Interation (PPI)*, *cis-eQTL*, *Biological Process*, *Cellular Component*, *Molecular Function* dan *KEGG pathway*. Gen-gen yang menjadi target terapi kemudian diidentifikasi interaksi Gen-Obat dengan menggunakan Drugbank dan DGIdb *database*. Fokus utama dalam pemilihan kandidat obat baru yaitu obat yang memiliki aksi farmakologi dan belum dilakukan uji pra klinis maupun uji klinis. Dari analisis ini, diperoleh 760 SNPs dan 24 SNP yang mengalami *missense*. Berdasarkan kriteria enam anotasi fungsional diperoleh 16 gen yang memiliki skor ≥ 2 , dimana 3 gen menunjukkan adanya interaksi dengan obat yang sudah *di-approved* sehingga berpotensi digunakan sebagai target terapi untuk UC yaitu *PRKCQ*, *TLR4* dan *SH2B3*. Obat-obat yang berpotensi digunakan adalah Cyclobenzaprine (inhibitor *TLR4*), Tamoxifen dan Benzoyl Peroxide (inhibitor *PRKCQ*) dan Pazopanib (inhibitor *SH2B3*). Secara keseluruhan, penelitian ini telah menghasilkan kandidat obat paling menjanjikan yang belum dilaporkan sebagai obat anti UC dan menawarkan pendekatan penggunaan kembali obat untuk memberikan bukti empiris bagi penemuan obat terkait UC.

Kata Kunci: Bioinformatik, *Drug Repurposing*, Genomik, *GWAS*, *Ulcerative Colitis*

ABSTRACT

Ulcerative Colitis (UC) is a chronic inflammation of the lining of the digestive tract, especially in the rectum and colon. Genetic factors are one of the causes of UC. This becomes a challenge in finding new drugs to treat diseases based on specific target genes. So the aim of this research is to identify candidate therapeutic targets in UC. This research uses the Genomic-Wide Association Studies (GWAS) catalog to collect data regarding gene variations associated with UC with p-value <10⁻⁸. Missense SNPs are the main focus at this stage. In the next stage, determine the target gene by classifying the score based on the six functional annotation criteria including protein-protein interaction (PPI), cis-eQTL, Biological Process, Cellular Component, Molecular Function and KEGG Molecular Pathway. Genes that are targeted for therapy are then identified for gene_drug interactions using Drugbank and DGIdb database. The main focus in selecting new drugs that have pharmacological action and have not yet undergone pre-clinical trial and clinical trials. From this analysis, 760 SNPs were obtained and 24 SNPs were missense. Based on the six functional annotation criteria, 16 genes were obtained that had a score of ≥2, which 3 genes showed interaction with approved drugs so that they could potentially be used as therapeutic targets for UC, namely PRKCQ, TLR4 and SH2B3. The drugs that are candidates for new drugs are Cyclobenzaprine (inhibitor TLR4), Tamoxifen dan Benzoyl Peroxide (inhibitor PRKCQ) and Pazopanib (inhibitor SH2B3). Overall, this study has yielded the most promising drug candidates not yet reported as anti-UC drugs and offers a drug repurposing approach to provide empirical evidence for UC-related drug discovery.

Keyword: *Bioinformatics, Drug Repurposing, Genomic, GWAS, Ulcerative Colitis*